

	ACC	BLCA	BRCA	CESC	CHOL	COAD	COREAD	DLBC	ESCA	GBM	HNSC	KICH	KIRC	KIRP	LGG	LHCG	LIAD	LUSC	MESO	NSCLC	OV	PAD
546_p53_signaling_pathway	****	****	****	***	***	*	***	****	****	****	****	*	***	***	****	****	****	****	****	****	*	****
148_e2f1_destruction_pathway	****	****	****	****	****	****	****	****	****	****	****	*	****	****	****	****	****	****	****	****	****	****
97_E2F_transcription_factor_network	****	****	****	****	****	****	****	****	****	****	****		****	****	****	****	****	****	****	****	****	****
76_FOXM1_transcription_factor_network	****	****	****	****	****	****	****	****	****	****	****	**	****	****	****	****	****	****	****	****	****	****
614_p53-Dependent_G1_DNA_Damage_Response	****	****	****	**	*	****	****	****	****	****	****		*	*	****	****	****	****	****	****	****	****
337_C-MYC_pathway	*	****	****	****		****	****	*	****	*	****	*	*			****	****	****	****	****	****	****
824_Validated_targets_of_C-MYC_transcriptional_activation	****	****	****	**	***	****	****	****	****	****	****	**		****	****	****	****	****	****	****	****	****
156_caspase_cascade_in_apoptosis	****	****	****	*		****	****	****	*	****	****		****	****	****	****	****	****	****	****	****	****
469_p38MAPK_events	*	****	****	***		****	****	*	*							****	****	****	**	****		****
235_il6_signaling_pathway	**	****	****			****	****	***				***	****			****	****			****		****
247_mechanism_of_protein_import_into_the_nucleus	****	****	****	****		****	****	****	****	****	****		**	****	****	****	****	****	****	****	****	****
243_sumoylation_by_ranbp2_regulates_transcriptional_repression		****	****			****	****	*	*	*	****		*			****	****	****	****		****	*
377_the_prc2_complex_sets_long-term_gene_silencing_through_modification_of_histone_tails	****		****	*		****	****		***	****	****		****			****	****	****	****		****	**
376_Regulation_of_retinoblastoma_protein	****	****	****	***	****	****	****	****	****	****	****		****	****	****	****	****	****	****	****	****	****
494_il2_signaling_events_mediated_by_PI3K		****	****			**	**	***					****			****	****	****	****	****	****	**
309_cell_cycle_g1/s_check_point	****	****	****	****	****	****	****	****	****	****	****		****	**	****	****	****	****	****	****	****	****
286_brca1_dependent_ub_ligase_activity	****	****	****		**	****	****		**	****	****		*			****	****	****	****	**	****	***
718_role_of_brca1_brca2_and_atr_in_cancer_susceptibility	****	****	****	*	***	****	****	***	****	****	****	*	****	****	****	****	****	****	**	****	****	****
641_PLK3_signaling_events	****	****	****		*	****	****		*	*	****		***		****	****	****	****		****		****
592_sonic_hedgehog_receptor_ptc1_regulates_cell_cycle	*	****	****			****	****	**	****	****	****	*				****	****	****	*	****		*
567_MHC_class_II_antigen_presentation		****	****			****	****		***	**	*			***	****	****	****	****	****	**	***	**
566_Cross-presentation_of_soluble_exogenous_antigens_endosomes		****	****			****	****		****	*		****	*	***	*	*	****	****	****	****	**	****
532_tnf/stress_related_signaling		****	****	****		****	****		***	**	**		***			*	****	****	****	****	*	****
952_G2/M_DNA_replication_checkpoint	****	****	****	**	**	****	****	*	****	****	****		**		**	****	****	****	****	****	****	****
918_Separation_of_Sister_Chromatids	****	****	****	****	**	****	****	***	****	****	****	*	*	**	****	****	****	****	****	****	****	****
917_Initiation_of_Nuclear_Envelope_Reformation	****	****	****			****	****		****	****	****	*		*	****	****	****	****	****	****	****	****
916_Condensation_of_Prometaphase_Chromosomes	****	****	****	****	***	****	****	**	****	****	****	*	*	***	****	****	****	****	****	****	****	****
915_Mitotic_Metaphase/Anaphase_Transition	****	****	****	****	**	****	****		****	****	****			*	****	****	****	****	****	****	****	****
914_Mitotic_Telophase/Cytokinesis	****	****	****	****	***	****	****	****	****	****	****					****	****	****	****	****	****	****
913_Cohesin_Loading_onto_Chromatin	****	****	****	****		****	****	*	****	****	****			*	****	**	****	****	****	****	****	****
960_Deposition_of_New_CENPA-containing_Nucleosomes_at_the_Centromere	****	****	****	**		****	****	*	****	****	****	*		**	****	****	****	****	****	****	****	****
959_Telomere_C-strand_Lagging-Strand_Synthesis	****	****	****		*	****	****		****	****	****	*	****	****	****	****	****	****	****	****	****	****
958_Telomere_Extension_By_Telomerase	***	****	****	**	*	***	****		****	***	****	**			****	****	****	****	****	****	****	****
957_Polymerase_switching_on_the_C-strand_of_the_telomere	****	****	****	**	*	****	****	**	****	****	****	**	****	****	****	****	****	****	****	****	****	****
956_Telomere_C-strand_synthesis_initiation	****	****	****	****		****	****	****	****	****	****				****	****	****	****	****	****	****	****
955_Removal_of_the_Flap_Intermediate_from_the_C-strand	****	****	****	****		****	****		****	****	****	**	****		****	****	****	****	****	****	****	****
954_Processive_synthesis_on_the_C-strand_of_the_telomere	****	****	****	**		****	****	*	****	****	****	*	****	****	****	****	****	****	****	****	****	****
1311_b_tumor_suppressor/checkpoint_signaling_in_response_to_dna_damage	****	****	****	****	***	****	****	****	****	****	****		****	**	****	****	****	****	****	****	****	****
1310_insulin_signaling_pathway		****	****	****		****	****		****	****	****		****	*		****	****	****	****	****	****	****
1291_DNA_replication_initiation	****	****	****	****		****	****	****	****	****	****				****	****	****	****	****	****	****	****
1290_Switching_of_origins_to_a_post-replicative_state	****	****	****	**	***	****	****		****	****	****	*	****	****	****	****	****	****	****	****	****	****
1289_Orc1_removal_from_chromatin	****	****	****	*	**	****	****		****	****	****	*	****	***	****	****	****	****	****	****	****	****
1288_CDK-mediated_phosphorylation_and_removal_of_Cdc6	*	****	****			****	****		****	**	***		****	*	**	*	****	****	****	****	****	****
1287_Unwinding_of_DNA	****	****	****	***	****	****	****	****	****	****	****	**	****	****	****	****	****	****	****	****	****	****
1286_Leading_Strand_Synthesis	****	****	****	**		****	****	**	****	****	****	*	****	****	****	****	****	****	****	****	****	****
1257_cdc25_and_chk1_regulatory_pathway_in_response_to_dna_damage	****	****	****	*		****	****	**	****	**	****		****		****	****	****	****	*	****	****	**
52_Activation_of_caspases_through_apoptosome-mediated_cleavage	****		****	*		****	****	***		*	****		****		****	****	****	****	****	****	****	**
51_Apoptotic_execution_phase						****	****	****			****		****		****	**	*	*	*	**		****
50_Apoptotic_cleavage_of_cellular_proteins			****			****	****	****		****	****		****	****	****	****	****	****	****	*	****	****
48_proteasome_complex		**	****			****	****	*	****	*			**			****	****	****	****	****		****
7_Removal_of_licensing_factors_from_origins	****	****	****	****	****	****	****		****	****	****	*			***	****	****	****	****	****	****	****
6_Association_of_licensing_factors_with_the_pre-replicative_complex	****	****	****		**	****	****	*	****	****	****				*	****	****	****	****	****	****	****
5_Establishment_of_Sister_Chromatid_Cohesion	***	****	****	****		****	****	****	****	****	****		**			****	****	****	****	****	****	****
4_Ubiquitin-dependent_degradation_of_Cyclin_D1		****	****			****	****	*	****	*	***	*	****	*	****	****	****	****	****	****	*	****
3_Removal_of_the_Flap_Intermediate	****	****	****	****		****	****	*	****	****	****	*	****	*	****	****	****	****	****	****	****	****
2_Processive_synthesis_on_the_lagging_strand	****	****	****	**		****	****	*	****	****	****	*	****		****	****	****	****	****	****	****	****
1_G2_Phase	****	****	****		****	****	****	****	****	****	****	*	****	****	****	****	****	****	****	****	****	****
222_Phosphorylation_of_proteins_involved_in_G1/S_transition_by_active_Cyclin_E_Cdk2_complexes	****	****	****	****	**	****	****	****	****	****	****		*	****	****	****	****	****	****	****	****	****
221_SCF(Skp2)-mediated_degradation_of_p27/p21	****	****	****			****	****		****	****	****	*	****	**	****	**	****	****	****	****	****	****
220_G1/S-Specific_Transcription	****	****	****	****	****	****	****	***	****	****	****	**	****	****	****	****	****	****	****	****	****	****
219_E2F-mediated_regulation_of_DNA_replication	****	****	****	****	****	****	****	****	****	****	****	**	****	****	****	****	****	****	****	****	****	****
218_Activation_of_the_pre-replicative_complex	****	****	****	****	***	****	****	****	****	****	****	*	****	****	****	****	****	****	****	****	****	****
217_E2F-enabled_inhibition_of_pre-replication_complex_formation	****	****	****	****	**	****	****	**	****	****	****		*		**	****	****	****	****	****	****	****
216_Inhibition_of_replication_initiation_of_damaged_DNA_by_RB1/E2F1	****	****	****	****	**	****	****	****	****	****	****		****	*	****	****	****	****	****	****	****	**
215_Cyclin_A_Cdk2-associated_events_at_S_phase_entry	****	****	****	****	**	****	****	****	****	****	****		****	****	****	****	****	****	****	****	****	****
251_fas_signaling_pathway_cd95	**	****	****	***		****	****	****		****	****		****	****	****	****	****	****	****	****	****	****
435_ATR_signaling_pathway	****	****	****	****	****	****	****	****	****	****	****	*		*	****	****	****	****	****	****	****	****
409_atm_signaling_pathway	**	****	****		***	****	****	**		**	****		****		****	****	****	****	****	****	****	****
403_Ubiquitin_Mediated_Degradation_of_Phosphorylated_Cdc25A	*		****						*		**				****	***	****	****	****	****	****	****
402_p53-Independent_DNA_Damage_Response	****	****	****		*	**	**	****	****	****	****		****		****	****	****	****	****	****	****	****
401_Activation_of_ATR_in_response_to_replication_stress	****	****	****	****	****	****	****	**	****	****	****	**	****	**	****	****	****	****	****	****	****	****
400_Chk1/Chk2(Cds1)_mediated_inactivation_of_Cyclin_B_Cdk1_complex	****	****	****	**	***	****	****	****	****	****	****	*			****	****	****	****	****	****	****	****
222_Phosphorylation_of_proteins_involved_in_G1/S_transition_by_active_Cyclin_E_Cdk2_complexes	****	****	****	****	**	****	****	****	****	****	****		*	****	****	****	****	****	****	****	****	****
221_SCF(Skp2)-mediated_degradation_of_p27/p21	****	****	****			****	****		****	****	****	*	****	**	****	**	****	****	****	****	****	****
220_G1/S-Specific_Transcription	****	****	****	****	****	****	****	***	****	****	****	**	****	****	****	****	****	****	****	****	****	****
219_E2F-mediated_regulation_of_DNA_replication	****	****	****	****	****	****	****	****	****	****	****	**	****	****	****	****	****	****	****	****	****	****
218_Activation_of_the_pre-replicative_complex	****	****	****	****	***	****	****	****	****	****	****	*	***	***	****	****	****	****	****	****	****	****
217_E2F-enabled_inhibition_of_pre-replication_complex_formation	****	****	****	****	**	****	****	**	****	****	****		*		**	****	****	****	****	****	****	****
216_Inhibition_of_replication_initiation_of_damaged_DNA_by_RB1/E2F1	****	****	****	****	**	****	****	****	****	****	****		****	*	****	****	****	****	****	****	****	**
215_Cyclin_A_Cdk2-associated_events_at_S_phase_entry	****	****	****	****	**	****	****	****	****	****	****		****	****	****	****	****	****	****	****	****	****
1202_Resolution_of_Sister_Chromatid_Cohesion	****	****	****	****	**	****	****	****	****	****	****			****	****	****	****	****	****	****	****	****
1201_Mitotic_Prometaphase	****	****	****	****	****	****	****	****	****	****	****	*		**	****	****	****	****	****	****	****	****
1200_MASTL_Facilitates_Mitotic_Progression	****	****	****	****		****	****	****	****	****	****		****	*	****	****	****	****	****	****	****	****
1199_Clearance_of_Nuclear_Envelope_Membranes_from_Chromatin	****	****	****		****	****																